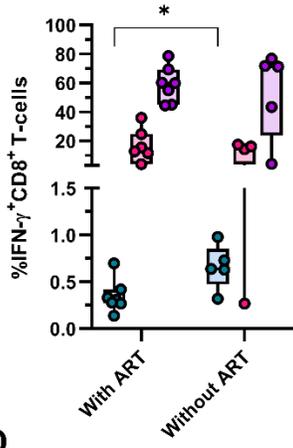
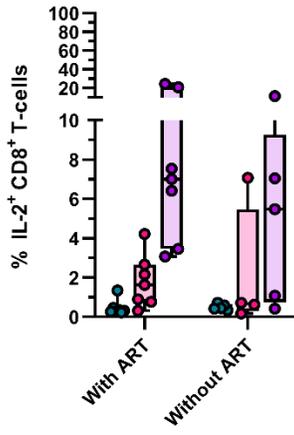
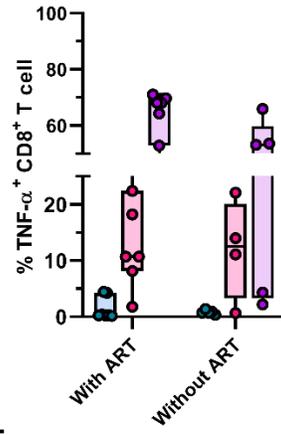
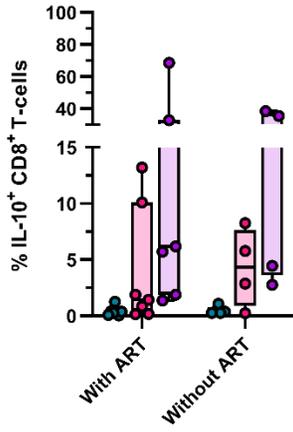
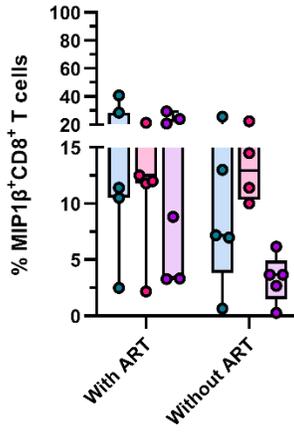
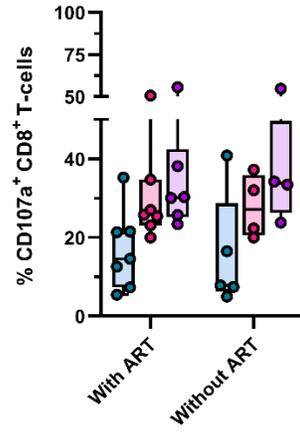
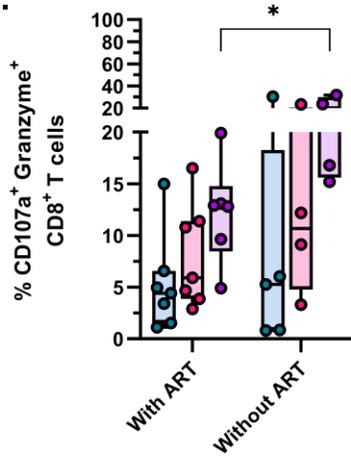
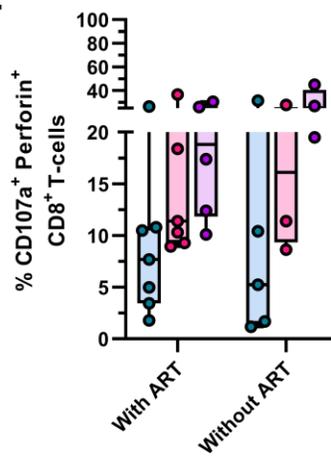
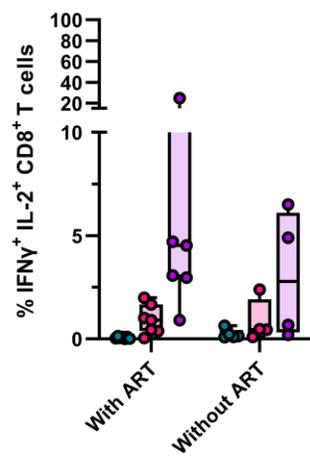
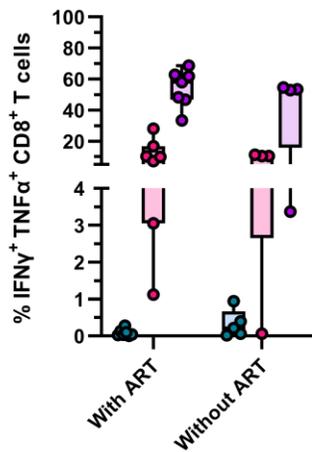


Figura 1: Perfil de citoquinas de LT CD8+ en respuesta a estímulos policlonales SEB y PMA. Porcentaje de LT CD8+ que expresan IFN- γ (A), IL-2 (B), TNF- α (C), IL-10 (D), MIP1 β (E), CD107a (F), y la co-expresión de CD107a y Granzima B (G), CD107a y Perforina (H), IFN- γ e IL-2 (I), IFN- γ y TNF- α (J). Cada punto representa el porcentaje de LT CD8+ de cada paciente evaluado. La gráfica presenta la mediana y el rango intercuartil. La prueba estadística Wilcoxon. *= p<0.05, **=p<0,005, ***=p<0,001.

A.**B.****C.****D.****E.****F.****G.****H.****I.****J.**

■ Negative control
■ SEB
■ PMA

Figura 2: Perfil de citoquinas de LT CD8+ en respuesta a estímulos policlonales con SEB y PMA en pacientes con ART y sin ART. Porcentaje de LT CD8+ que expresan IFN- γ (A), IL-2 (B), TNF- α (C), IL-10 (D), MIP1 β (E), CD107a (F), y la co-expresión de CD107a y Granzima B (G), CD107a y Perforina (H), IFN- γ e IL-2 (I), IFN- γ y TNF- α (J) en pacientes con o sin terapia antirretroviral. Cada punto representa el porcentaje de LT CD8+ de cada paciente evaluado. La gráfica presenta la mediana y el rango intercuartil. La prueba estadística fue U Mann Whitney. *= p<0.05, **=p<0,005, ***=p<0,001.

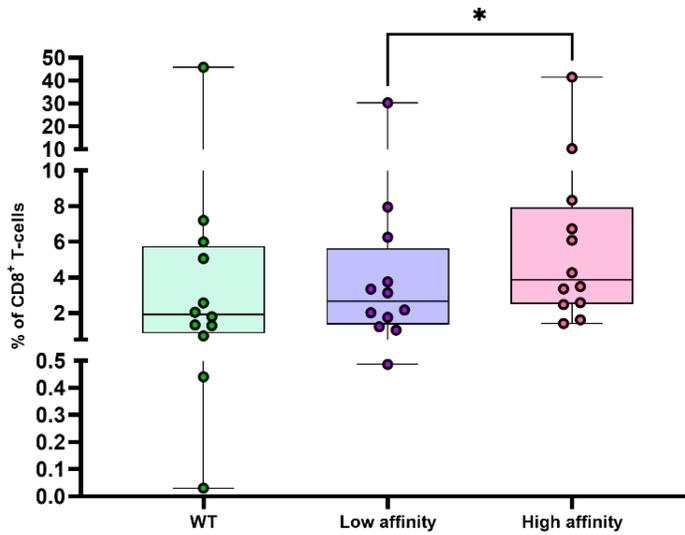


Figura 3: Magnitud de LT CD8+ estimulados con epítopes silvestres (WT) y variantes mutadas asociadas con alta y baja afinidad de unión al HLA-B*35. Porcentaje de LT CD8+ específicos a epítopes silvestres, a variantes mutadas con baja afinidad de unión al HLA-B35 y a variantes mutadas con alta afinidad de unión. La magnitud total de la respuesta de LT CD8+ se determinó como la suma de las respuestas de todos los péptidos individuales. La gráfica presenta la mediana y el rango intercuartil. La prueba estadística Wilcoxon. *= p<0.05, **=p<0,005, ***=p<0,001.

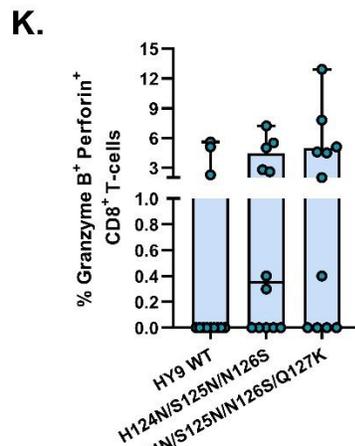
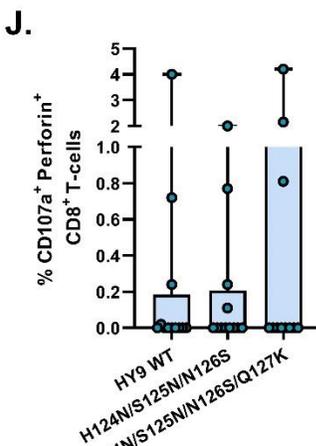
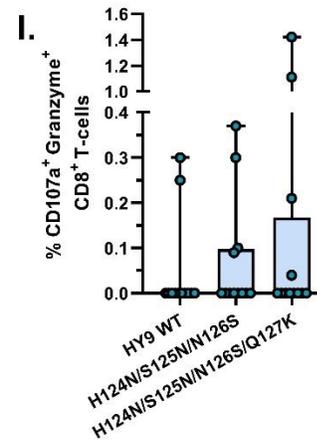
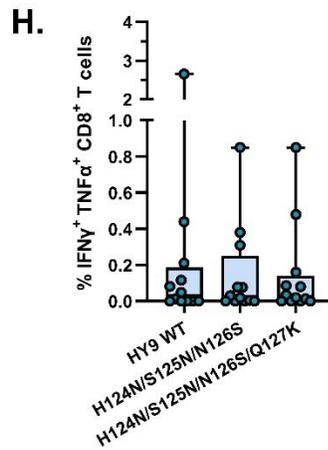
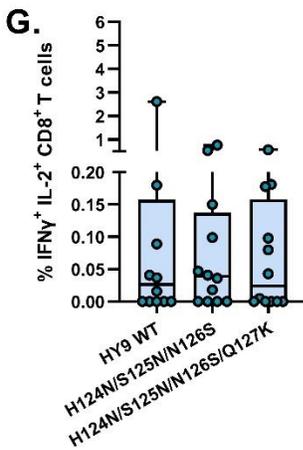
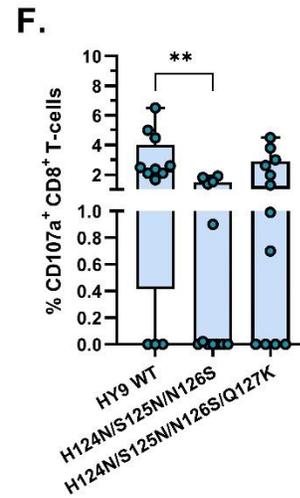
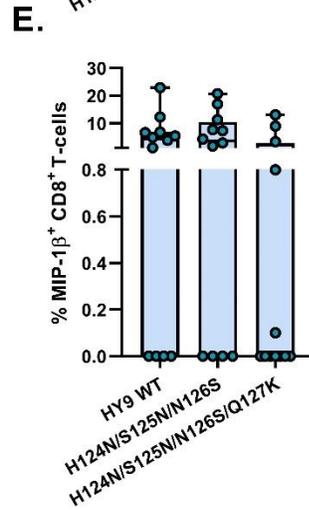
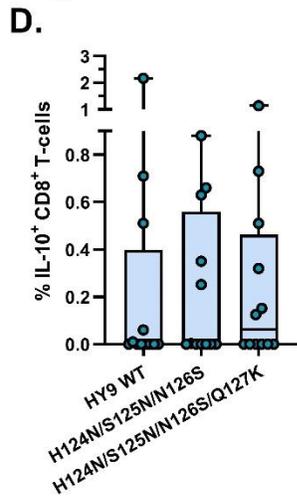
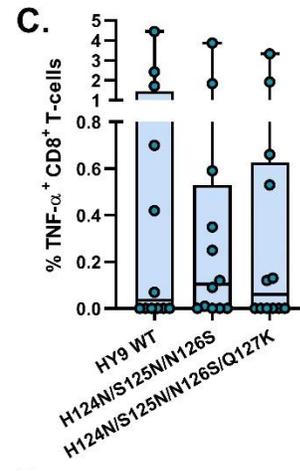
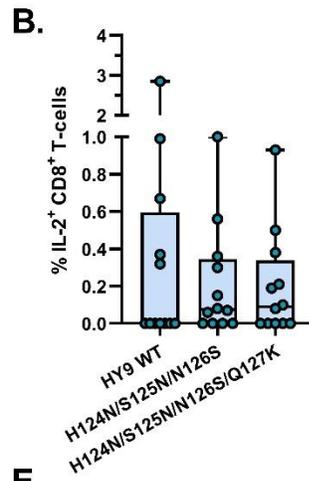
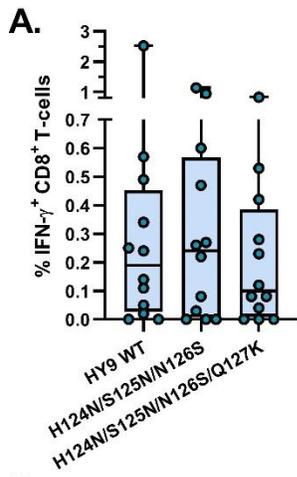


Figura 4: Respuesta de LT CD8+ específicos al epítoto HY9 y las variantes mutadas con afinidad de unión baja al HLA-B*35. Frecuencia de LT CD8+ que expresan IFN- γ (A), IL-2 (B), TNF- α (C), IL-10 (D), MIP1 β (E), CD107a (F) y la co-expresión de IFN- γ e IL-2 (G), IFN- γ y TNF- α (H), CD107a y Granzima B (I), CD107a y Perforina (J) y Granzima B y Perforina. Cada punto representa el porcentaje de LT CD8+ de cada paciente evaluado. La gráfica presenta la mediana y el rango intercuartil. La prueba estadística fue Wilcoxon. *= p<0.05, **=p<0,005, ***=p<0,001.

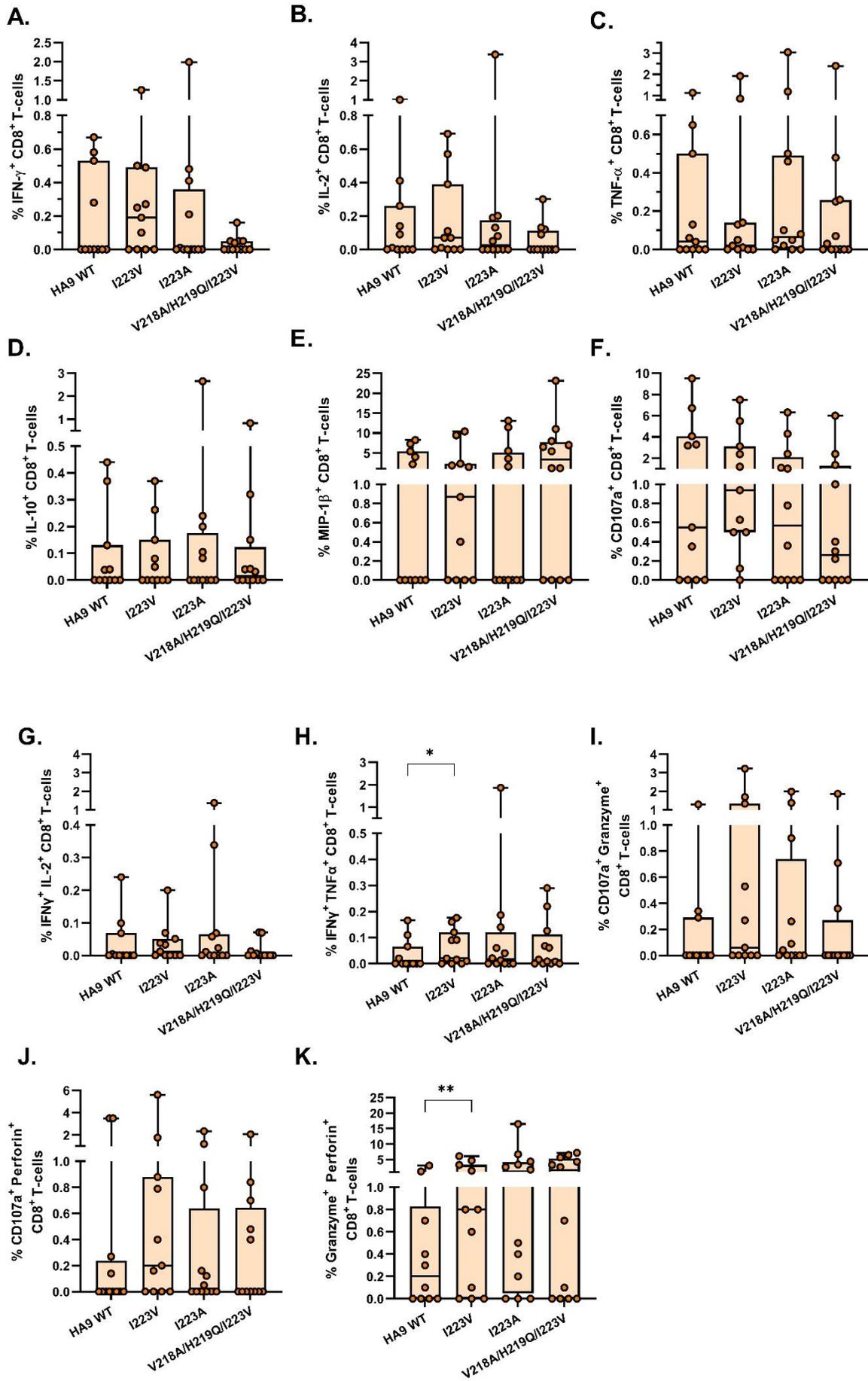


Figura 5: Respuesta de LT CD8+ específicos al epítoto HA9 y las variantes mutadas con afinidad de unión alta al HLA-B*35. Frecuencia de LT CD8+ que expresan IFN- γ (A), IL-2 (B), TNF- α (C), IL-10 (D), MIP1 β (E), CD107a (F) y la co-expresión de IFN- γ e IL-2 (G), IFN- γ y TNF- α (H), CD107a y Granzima B (I), CD107a y Perforina (J) y Granzima B y Perforina. Cada punto representa el porcentaje de LT CD8+ de cada paciente evaluado. La gráfica presenta la mediana y el rango intercuartil. La prueba estadística fue Wilcoxon. *= p<0.05, **=p<0,005, ***=p<0,001.

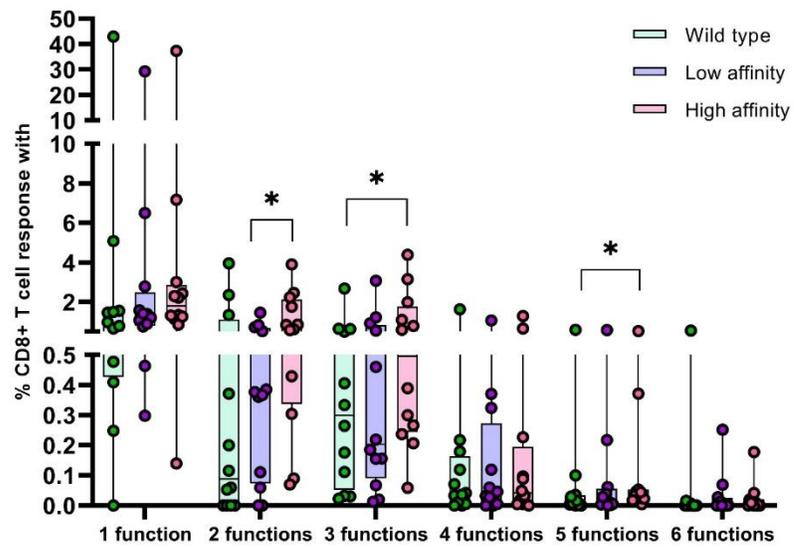


Figura 6: Perfil polifuncional de LT CD8+. Porcentaje de LT CD8+ que expresan una o más funciones. La gráfica presenta la mediana y el rango intercuartil. La prueba estadística fue U Mann Whitney. *= p<0.05, **=p<0,005, ***=p<0,001.

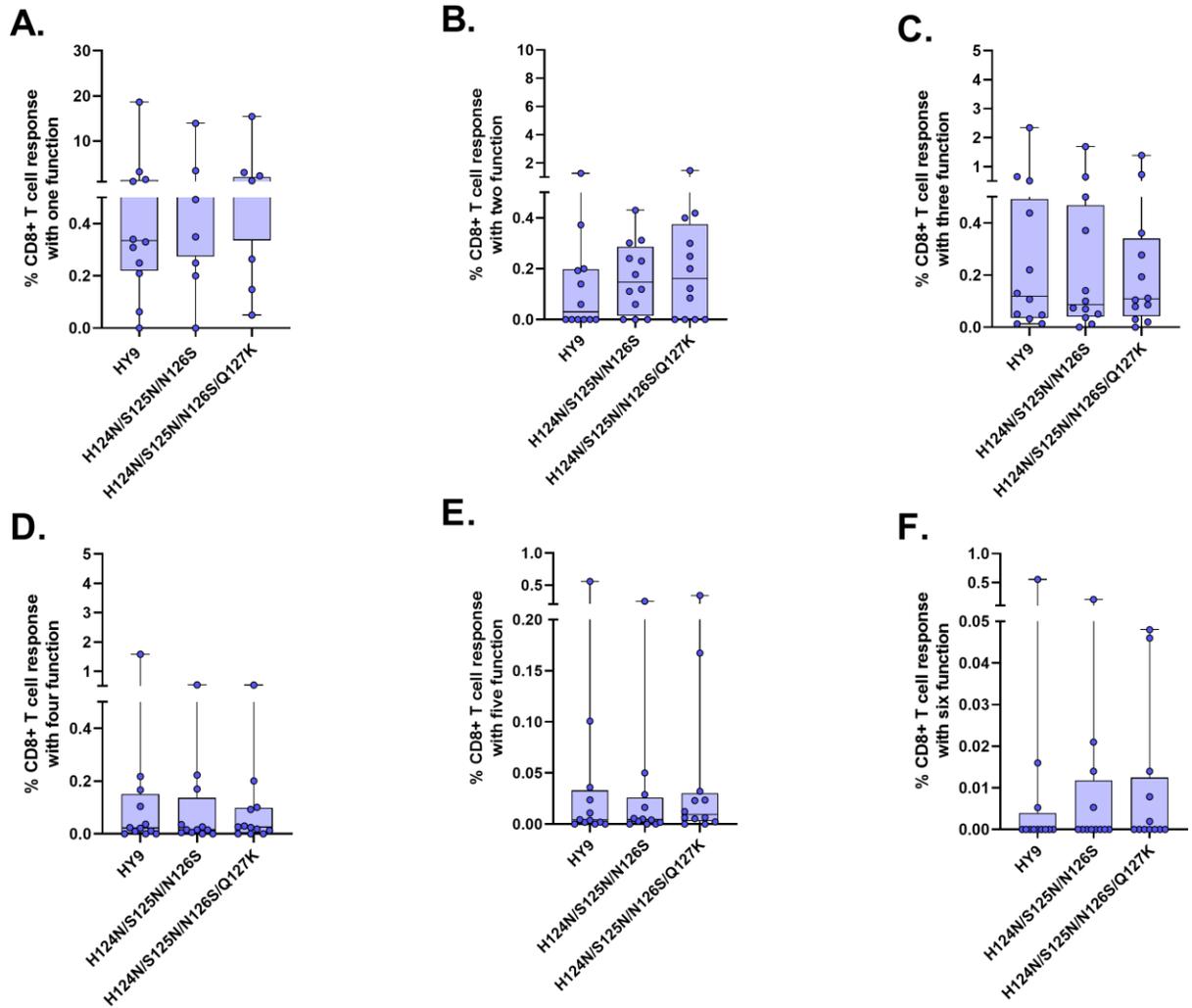


Figura 7: Perfil polifuncional de LT CD8+ estimulados con el epítipo silvestre HY9 y sus variantes mutadas con afinidad de unión baja al alelo HLA-B*35. Frecuencia de LT CD8+ que expresan una (A), dos (B), tres (C), cuatro (D), cinco (E) y seis (F) funciones simultáneamente. Cada punto representa el porcentaje de LT CD8+ de cada paciente evaluado. La gráfica presenta la mediana y el rango intercuartil. La prueba estadística fue Wilcoxon. *= $p < 0.05$, **= $p < 0.005$, ***= $p < 0.001$.

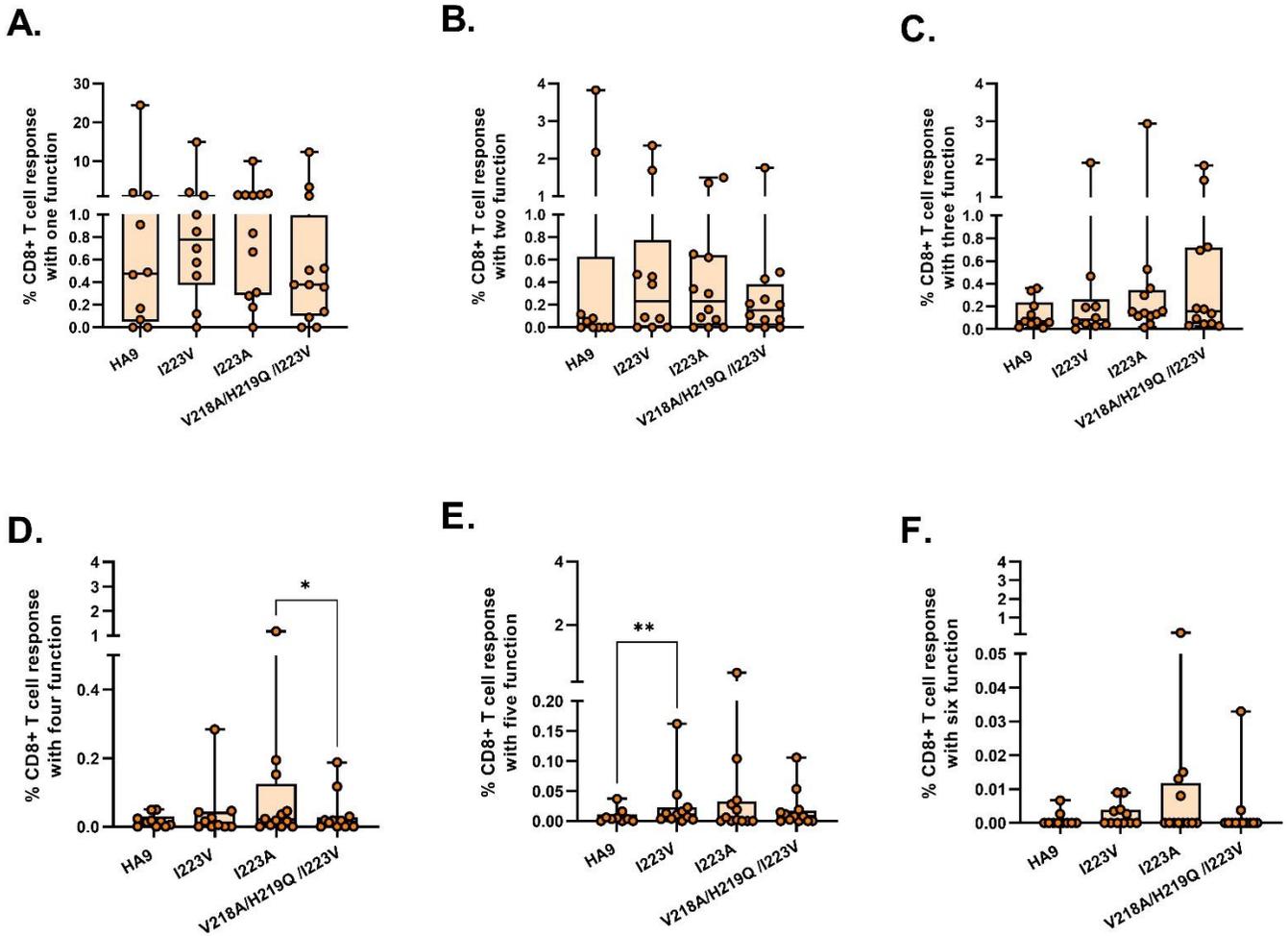


Figura 8: Perfil polifuncional de LT CD8+ estimulados con el epítipo silvestre HA9 y sus variantes mutadas con afinidad de unión alta al alelo HLA-B*35. Frecuencia de LT CD8+ que expresan una (A), dos (B), tres (C), cuatro (D), cinco (E) y seis (F) funciones simultáneamente. Cada punto representa el porcentaje de LT CD8+ de cada paciente evaluado. La gráfica presenta la mediana y el rango intercuartil. La prueba estadística fue Wilcoxon. *= $p < 0.05$, **= $p < 0.005$, ***= $p < 0.001$.