

## Trabajos en carteles

### FIEBRES HEMORRÁGICAS

#### **Asociación de polimorfismos de los genes *TNF-alfa*, *IL-6*, *IFN-gamma* y el efecto de la mezcla ancestral, con las formas clínicas de dengue en dos grupos étnicos, Colombia**

Berta Nelly Restrepo, Efrén Avendaño, Juan Camilo Chacón, Winston Rojas, Piedad Agudelo, Ruth Ramírez, Gabriel Bedoya

Instituto Colombiano de Medicina Tropical, Universidad CES, Sabaneta, Colombia  
brestrepo@ces.edu.co

**Introducción y objetivos.** El dengue es un importante problema de salud pública en países tropicales y subtropicales. El principal desafío es la explicación de las formas graves de la enfermedad. Una de las hipótesis es la influencia genética del huésped.

El objetivo fue evaluar la asociación de polimorfismos de los genes *TNF-alfa*, *IL-6* e *IFN-gamma* y el efecto de la mezcla ancestral, con las formas clínicas de dengue en dos grupos étnicos, en Colombia.

**Materiales y métodos.** Se hizo un estudio descriptivo. La población de estudio estuvo constituida por 122 pacientes afrodescendientes y 104 pacientes mestizos con dengue. Los genes candidatos escogidos fueron *IFN-gamma* (-78), *INF-gamma* (4100), *IL-6* 4859 (intrón 4 AF372214) y *TNF-alfa* (-376), los cuales se procesaron mediante la técnica PCR-RFLP. La clasificación del grupo étnico se hizo por autoidentificación y por medio de 19 marcadores informativos de ancestro (AIM).

**Resultados.** La comparación entre grupos étnicos mostró diferencias importantes. En mestizos fueron más frecuentes los casos de dengue hemorrágico (16,3 % Vs. 4,1 %,  $p=0,003$ ), más pacientes tuvieron trombocitopenia (66,7 % Vs. 47,3%,  $p=0,012$ ) y más requirieron hospitalización (63,5 % Vs. 23,8 %).

**Conclusiones.** Estos resultados son prueba de la propensión genética a la infección por el virus del

dengue. Sin embargo, es necesario llevar a cabo un mayor número de estudios.

#### **Síndrome febril por hantavirus: diagnóstico diferencial en Tonosí, Los Santos, Panamá, 2007-2009**

Blas Armien, Jamileth Mariñas, Juan Miguel Pascale, Carlos Muñoz, Demetrio Serracín, Deyanira Sánchez, Mario Ávila, Jonnattan Montenegro, Aníbal G Armien, Fred Koster

Instituto Conmemorativo Gorgas, Ciudad de Panamá, Panamá  
blasarmien@yahoo.com.mx

**Introducción y objetivos.** Se diseñó un estudio de casos febriles para documentar las infecciones agudas por hantavirus y su diagnóstico diferencial en Tonosí, Los Santos, por ser un área de alta prevalencia de infección (IgG) por hantavirus.

**Materiales y métodos.** Se hicieron pruebas a todos los pacientes que acudieron al Hospital Rural de Tonosí, con fiebre mayor de 38,5 °C, sin rinorrea, residentes de Tonosí, mayores de 5 años de edad, previo consentimiento o asentimiento informado escrito.

Aplicamos un cuestionario previamente validado para evaluar los síntomas. Se definió como caso al paciente que resultó positivo a la prueba de ELISA contra el anticuerpo de IgM de hantavirus, con confirmación por Western-blot, RT-PCR o ambas, para el virus Choclo; los controles fueron aquellos con dos pruebas negativas sucesivas. Las muestras negativas se analizaron para leptospira, rickettsia, dengue y mononucleosis.

**Resultados.** El 76 % (58/76) de los pacientes fueron positivos para hantavirus; 8 presentaron síndrome cardiopulmonar por hantavirus y 50 no presentaron complicaciones cardiopulmonares. La edad promedio fue de 33,8 años ( $DE\pm 15,4$ ) entre los casos. Entre los casos, la mediana de las plaquetas fue 130.000/mm<sup>3</sup>. Todos los casos de síndrome cardiopulmonar por hantavirus presentaban infiltrados en las radiografías de tórax y algunos casos con infección por hantavirus presentaron infiltrados pulmonares. Entre los